



Embrapa Uva e Vinho

ATO DE AUTORIZAÇÃO DE ABERTURA DE PROCESSO

O Chefe Adjunto de Administração da Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária - Embrapa, no uso das atribuições que lhe foram conferidas pela PORTARIA Nº 1121, de 23.10.2023, e Deliberação nº 28, de 10 de dezembro de 2024, publicada no BCA nº 63, de 16 de dezembro de 2024, comprovada a conveniência e oportunidade da contratação, **AUTORIZA** a abertura do processo, na forma do Regulamento de Licitações, Contratos e Convênios da Embrapa (Norma 037.011.003.001), nas condições abaixo:

1) Processo: 21206.001109/2026-75

2) Objeto:

Contratação de serviço de sequenciamento de alto desempenho de RNA mensageiro (mRNA) de seis (6) amostras de *Vitis vinifera* 'Moscato Branco', consistindo de Análise de qualidade de RNA total por eletroforese automatizada de alta-resolução usando chip microfluídico, remoção de RNA ribossomal (rRNA), enriquecimento em RNA mensageiro (mRNA), construção de seis (6) bibliotecas de sequenciamento de alto desempenho, produção de ≥ 30 milhões de leituras por amostra, leituras a partir de ambas extremidades (paired-end) e até 150 bp de tamanho, garantia de $\geq 80\%$ das bases com escore de qualidade $\geq Q30$. Entrega de resultados em até 120 dias após aceitação de amostras com score de qualidade suficiente para o sequenciamento. Os resultados serão entregues na forma de dados brutos filtrados de sequenciamento no formato fast/fastq.

3) Justificativa:

O sequenciamento do genoma do 'Moscato Branco' permite demonstrar sua identidade única, em comparação com outras variedades aromáticas cultivadas na região e no mundo. No momento, a montagem do genoma está 99.57 % completa, tendo sido realizada a partir de sequenciamento de leituras ultra longas, obtidas por sequenciamento em tempo real de bases de DNA genômico pela medição da ruptura da corrente iônica durante a passagem das moléculas por nanoporos protéicos (plataforma Oxford Nanopore Technologies). Entretanto, o sequenciamento de moléculas ultra-longas ainda exibe taxas de erro em torno de 2 %. Assim, para a montagem completa de genomas vegetais, é recomendado que leituras curtas de alta acurácia sejam empregadas para aprimorar a montagem inicial. O sequenciamento de alto desempenho de leituras curtas permite aprofundar a cobertura do genoma, completando regiões não cobertas por sequências ultra-longas. As leituras curtas de alta acurácia também funcionam como ferramentas de polimento do genoma montado, corrigindo erros nos quadros (*scaffolds*) construídos a partir das leituras longas. A adição de leituras curtas de alta precisão à montagem do genoma do 'Moscato Branco' permitirá o fechamento de regiões incompletas e polimento de sequências possivelmente erradas, permitindo a determinação dos haplótipos de seus parentais, associando seu caráter genético único à sua autenticidade e procedência, embasando a certificação do vinho de 'Moscato Branco' da região geográfica como Denominação de Origem Controlada (DOC). Essa demanda está alinhada aos objetivos estratégicos e escopo do Projeto 'Denominação de Origem Farroupilha'.

4) Plano de Contratações Anual:

Muito embora o sequenciamento do genoma do 'Moscatto Branco' do presente objeto não estar previsto no PCA 2026, a contratação em questão é decorre da necessidade de atendimento da demanda alinhada aos objetivos estratégicos e escopo do Projeto - Denominação de Origem Farroupilha.

Assim, apesar de o sequenciamento do genoma do 'Moscatto Branco' não constar na previsão no planejamento anual de 2026, isso não afasta a necessidade da contratação, considerando seu caráter essencial e estratégico para o Projeto - Denominação de Origem Farroupilha

Bento Gonçalves-RS, de Maio de 2026

SÉRGIO AGUILAR DA SILVA SCHMITZ

Chefe Adjunto de Administração



Documento assinado eletronicamente por **Sérgio Aguilar da Silva Schmitz, Chefe-Adjunto**, em 01/06/2026, às 15:01, conforme art. 6º, parágrafo 1º do Decreto 8.539, de 8 de outubro de 2015.



A autenticidade do documento pode ser conferida no site https://sei.sede.embrapa.br/sei/controlador_externo.php?acao=documento_conferir&id_orgao_acesso_externo=0 informando o código verificador **13632317** e o código CRC **6BD9BE16**.